

| | |
|-------------------------|---|
| Intitulé de l'UE | Analyse bioinformatique du protéome |
| Section(s) | - (2 ECTS) Master en sciences de l'Ingénieur industriel / orientation Life Data Technology / Cycle 2 Bloc 1 |

| Responsable(s) | Heures | Période |
|----------------|--------|---------|
| Aline LEONET | 20 | Quad 2 |

| Activités d'apprentissage | Heures | Enseignant(s) |
|----------------------------------|--------|---------------|
| Analyse des données protéomiques | 20h | Aline LEONET |

| Prérequis | Corequis |
|-----------|----------|
| | |

| Répartition des heures |
|---|
| Analyse des données protéomiques : 8h de théorie, 12h d'exercices/laboratoires |

| Langue d'enseignement |
|--|
| Analyse des données protéomiques : Français |

| Connaissances et compétences préalables |
|---|
| Cours de protéomique |

| Objectifs par rapport au référentiel de compétences ARES |
|--|
| Cette UE contribue au développement des compétences suivantes |
| <p>- Master en Sciences de l'ingénieur industriel :</p> <ul style="list-style-type: none"> • Identifier, conceptualiser et résoudre des problèmes complexes <ul style="list-style-type: none"> ◦ Intégrer les savoirs scientifiques et technologiques afin de faire face à la diversité et à la complexité des problèmes rencontrés ◦ Sélectionner et exploiter les logiciels et outils conceptuels les plus appropriés pour résoudre une tâche spécifique • S'intégrer et contribuer au développement de son milieu professionnel <ul style="list-style-type: none"> ◦ Planifier le travail en respectant les délais et contraintes du secteur professionnel (sécurité ...) ◦ Travailler en autonomie et en équipe dans le respect de la culture d'entreprise ◦ Élaborer une stratégie de communication • S'engager dans une démarche de développement professionnel <ul style="list-style-type: none"> ◦ Assumer la responsabilité de ses décisions et de ses choix |
| <p>- Master en Sciences de l'ingénieur industriel en Life Data Technologies :</p> <ul style="list-style-type: none"> • Comprendre l'origine des données biologiques, les méthodes d'acquisition, de transmission, de stockage et de traitement <ul style="list-style-type: none"> ◦ Comprendre l'origine biologique des données à traiter ◦ Connaître et utiliser les méthodes d'acquisition des données biologiques |

- Connaître et utiliser les méthodes de transmission des données
- Utiliser, adapter et/ou créer des outils bioinformatiques en réponse aux problèmes biologiques posés par les acteurs du domaine
- S'adapter aux nouvelles technologies d'avenir dans un domaine en plein essor
 - Être capable d'apprentissage, d'adaptabilité et créativité pour répondre à des besoins spécifiques
 - S'adapter aux nouvelles technologies tant dans les domaines médicaux et scientifiques qu'informatiques

Acquis d'apprentissage spécifiques

Traiter, analyser, interpréter les résultats de jeux de données issus d'un spectromètre de masse, protéomique, via des logiciels X!tendem, Trans Proteomic pipeline, Skyline,...

Contenu de l'AA Analyse des données protéomiques

Utiliser des jeux de données issus d'analyseurs en spectrométrie de masse, pour les traiter, analyser, interpréter les résultats via des logiciels X!tendem, Trans Proteomic pipeline, Skyline,...

Méthodes d'enseignement

Analyse des données protéomiques : cours magistral, approche par projets, approche par situation problème

Supports

Analyse des données protéomiques : copies des présentations

Évaluations et pondérations

| | |
|-------------------------------|--|
| Évaluation | Note globale à l'UE |
| Langue(s) d'évaluation | Français |
| Méthode d'évaluation | Évaluation via la réalisation d'un projet. |

Report de note d'une année à l'autre pour l'AA réussie en cas d'échec à l'UE

Analyse des données protéomiques : **oui**

Année académique : **2021 - 2022**